

第1回核酸研究会

日時：令和4年3月29日 15:00~17:20

会場：Zoom 開催（令和4年度日本水産学会春季大会関連行事）

参加登録は <https://bit.ly/36n7E3B>

もしくは🔍”水圏生物工学 核酸”で検索して登録をお願いします。

- | | | |
|-------------|--|--|
| 15:00~15:05 | 開会の辞 | 浅川 修一（東大院農水圏） |
| 15:05~15:17 | ハプロイド・雑種・配偶子を用いた連鎖解析 | 浅川 修一（東大院農水圏） |
| 15:17~15:29 | 大船渡湾海水を用いた微生物叢のメタゲノム解析 | 小檜山 篤志・水澤奈々美・渡部終五（北里大海洋） |
| 15:29~15:41 | Squalomix（スクアロミクス）プロジェクト：軟骨魚類の多様性と進化を究める | 工樂樹洋（国立遺伝研・理研 BDR） |
| 15:41~15:53 | アクアラインの向こう側での植物ゲノム研究 | 白澤 健太（かずさ DNA 研究所） |
| 15:53~16:05 | アユゲノム情報を用いた遺伝育種研究 | 坂本 崇（東京海洋大） |
| 16:05~16:17 | 二倍体アコヤガイゲノムのハプロタイプ別アセンブリ | 竹内猛（OIST）鈴木 慶彦（OIST）・渡部 終五（北里大海洋）・永井 清仁（ミキモト真珠研）・正岡 哲治（水研機構）・藤江 学（OIST）・川満 真由美（OIST）・佐藤 矩行（OIST）・Eugene W. Myers（OIST） |
| 16:17~16:29 | クルマエビ病原ウイルス WSSV の起源を探る | 川戸智（東京海洋大）野崎玲子 近藤秀裕 廣野育生 |
| 16:29~16:41 | 単核相細胞を用いた大型菌類のゲノム解析の可能性 | 黒河内 寛之（東大院農造林）吉武和敏、佐藤光彦、白澤健太、田村孝史、中村光順、矢島弘之、浅川修一 |
| 16:41~16:53 | 環境 DNA 自動モニタリングに向けた現場型サンプリング装置の実証試験 | 後藤周史（東大大海研）・福場辰洋・Marty Kwok・Shing Wong・峰岸有紀・兵藤晋・小林陽子・菅井洋太・濱崎恒二 |
| 16:53~17:05 | 魚類ゲノムと関連解析 | 中村 洋路（水研機構） |
| 17:05~17:17 | D-loop ハプロタイプ数を利用した eDNA からの個体数推定方法および eDNA データベース開発 | 吉武 和敏（東大院農水圏） |
| * | | |
| 17:17~17:20 | 閉会の辞 | 木下 滋晴（東大院農水圏） |